


Resumen del Plan de Trabajo de GBIF y prioridades del Nodo Español

X Jornadas sobre información de Biodiversidad y Administraciones Ambientales
24-25 Octubre 2018, Andorra La Vella





La misión fundamental de GBIF es dar acceso a datos de biodiversidad de todo el mundo para apoyar la investigación científica, fomentar la conservación biológica y favorecer el desarrollo sostenible

¿Qué es GBIF? – Estadísticas (Octubre 2018)



1.023.477.936

Registros
(occurrence records)



117.000 M

Media registros descargados al
mes (2018)



159.127

Media páginas visitadas
mes (2018)



~2 al día

Artículos (usos) que utilizan
datos de GBIF (2017)



1.282

Publicadores



41.332

Juegos de datos (occurrence,
checklists, sampling-event
data, metadata)



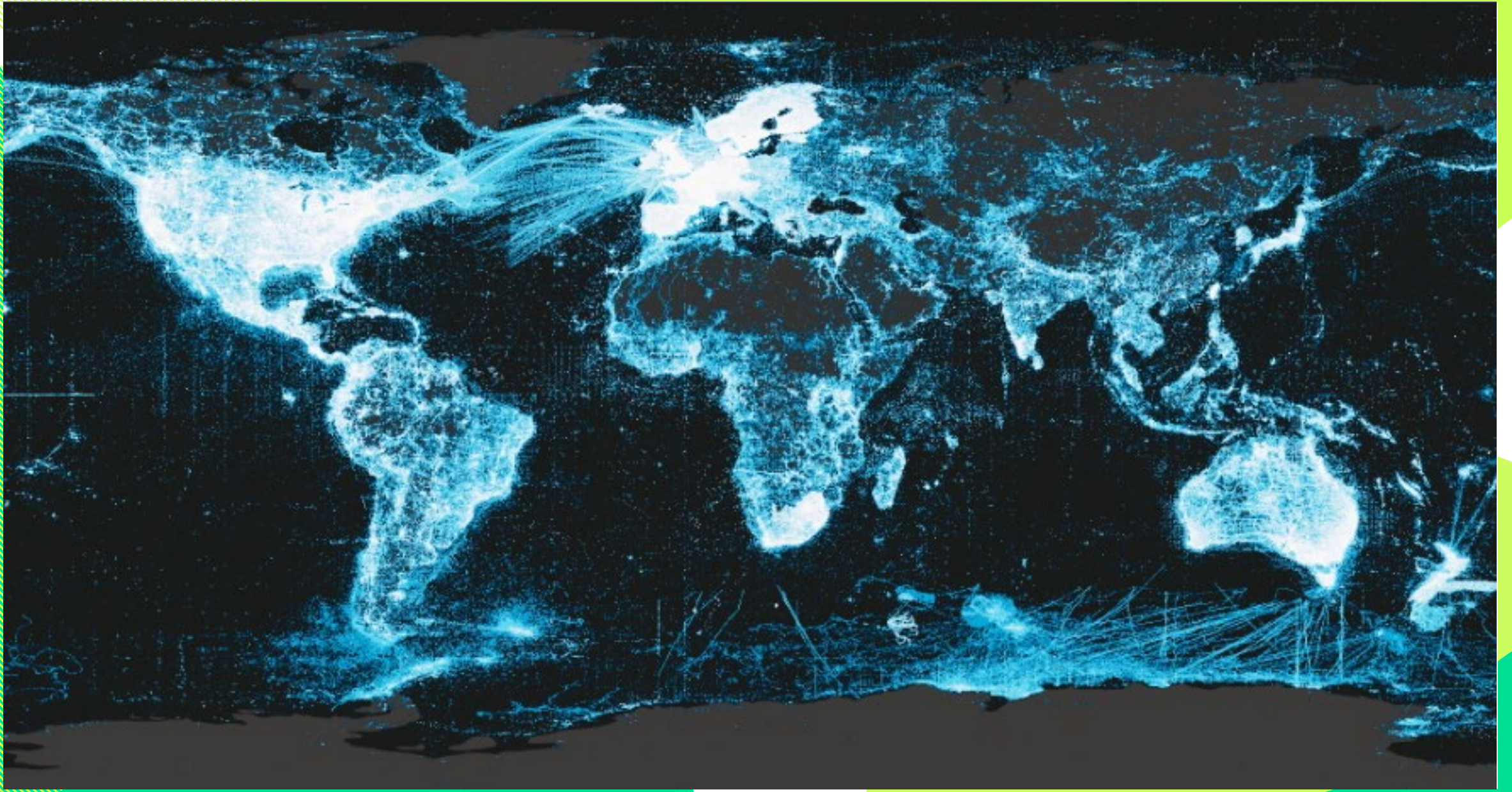
59

Países participantes

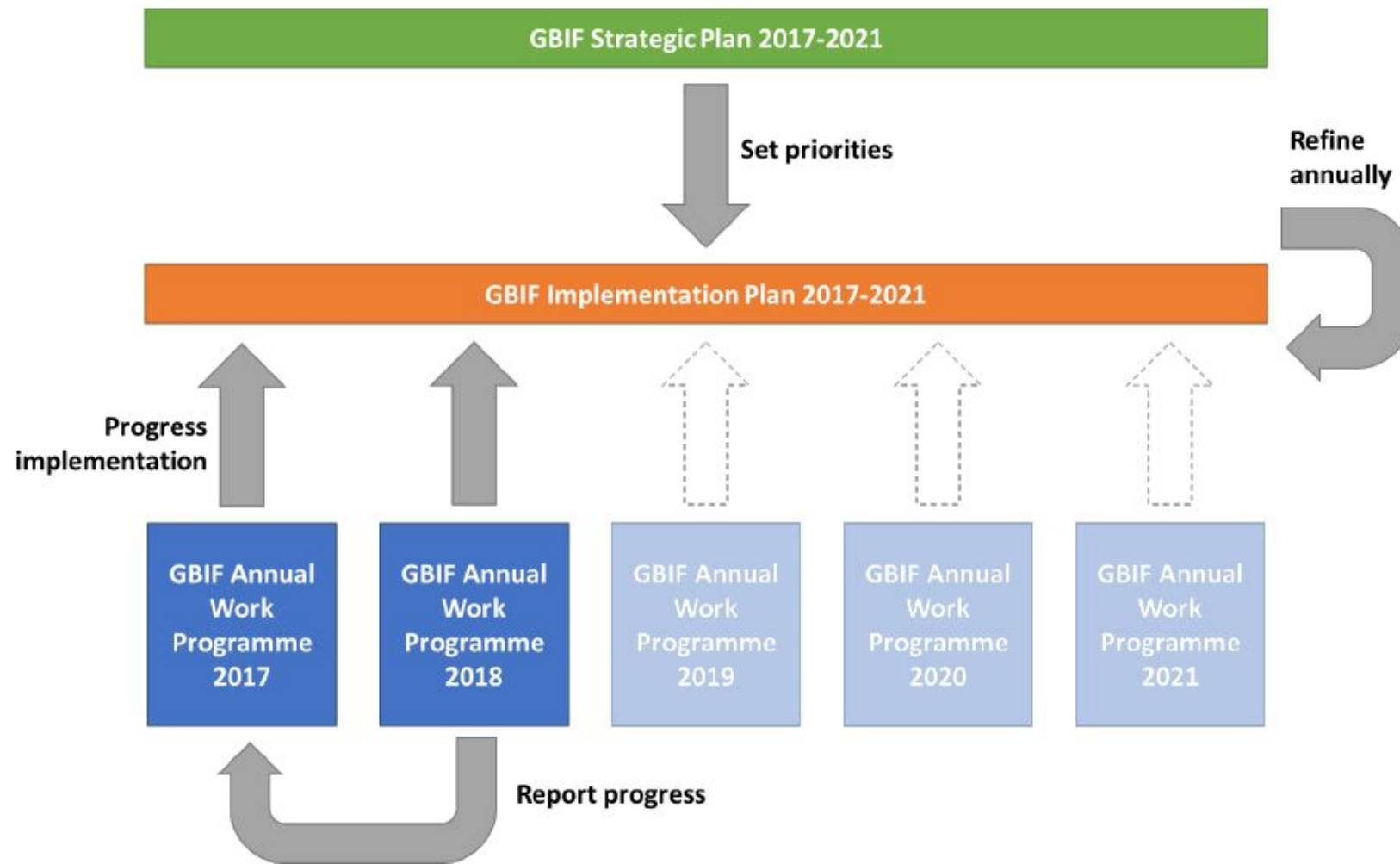


38

Organizaciones participantes



Plan de implementación de GBIF y plan de trabajo



1 Empoderar la red global

Asegurar que los gobiernos, los investigadores y los usuarios en general de GBIF estén equipados y respaldados para compartir, mejorar y utilizar los datos a movilizados través de la red de GBIF, independientemente de su ubicación geográfica, idioma o afiliación institucional.



2 Reforzar la infraestructura de información en biodiversidad

Proporcionar liderazgo, experiencia y herramientas para apoyar la integración de toda la información sobre biodiversidad como una base de conocimiento digital interconectada.



3 Rellenar vacíos de información

Priorizar y promover la movilización de nuevos recursos de datos que combinados con los recursos existentes maximicen la cobertura, integridad y resolución de los datos de GBIF, particularmente en el contexto taxonómico, geográfico y temporal.



4 Mejorar la calidad de los datos

Asegurar que todos los datos dentro de la red de GBIF tengan la mejor calidad posible y estén asociados con indicadores claros que permitan a los usuarios evaluar su origen, relevancia y utilidad para cualquier aplicación/uso.



5 Hacer accesibles datos relevantes

Asegurar que GBIF hace accesibles los datos en la forma y la integridad requeridos para satisfacer las necesidades más prioritarias de la ciencia y la sociedad.



1 Empoderar la red global

1.a. Centrarse en las personas

- Personalización y mejora de GBIF.org
- Perfil extendido, personalizado
- Conecta información de otras fuentes
 - ORCID
 - Juegos de datos
 - Proyectos (CESP, BID, BIFA)
 - Badges (insignias)
 - Artículos científicos
 - Rol en la red de GBIF
 - Filtros preferidos
 - Habilidades
 - Citaciones
 - Actividad publicadora
- <https://github.com/gbif/portal16/issues/726>

The screenshot shows the GBIF user profile for Morten Hoefft. The profile is public and includes the following information:

- Profile Information:** FIRST NAME: Morten, LAST NAME: Hoefft, EMAIL: mhoefft@gbif.org, COUNTRY: Denmark.
- Badges:** Three badges are displayed: a red one with a gear, a red one with a star, and a yellow one with a globe.
- Statistics:** 23,802 occurrences in 3 datasets, 2 datasets that you helped create, 12 published datasets with you as publisher, and 19 hosted datasets on 1 installation.
- Records:** A large image of a plant with a small insect on it. Below the image, it says "23,802 Occurrences With your recorder names Could be used by others". There are three tags: "mhoefft", "morten hoefft", and "mortenhofft" with a "Comma separated reco" label.
- Datasets:** A bar chart showing the number of datasets created, published, and hosted. The chart shows 2 created, 12 published, and 19 hosted datasets.

1 Empoderar la red global

1.a. Centrarse en las personas

GBIF Community Forum

<https://discourse.gbif.org/>

Cristina
Cristina Villaverde

Summary | Activity | Notifications | Messages | Badges | Preferences

STATS

16 days visited | 1h read time | 28m recent read time | 36 topics viewed | 93 posts read | 6 hearts given | 1 bookmark | 0 topics created

2 posts created | 2 hearts received

TOP REPLIES

- 1h | 2 hearts | [Sharing your node's experience with the community](#)
- Jul 20 | [GBIF Download Trends](#)

TOP LINKS

- [gbif.org/article/4mo/VPT04Dg2uoEMMYqmSwMtraining-through-e-learning-a-guiding-ex-1](#) | [Sharing your node's experience with the community](#)
- [elearning.gbif.es](#) | [Sharing your node's experience with the community](#)

MOST LIKED BY

- dnoesgaard** Daniel Noesgaard | 1 heart

TOP TOPICS

No topics yet.

MOST REPLIED TO

- andre** Andre Heughebaert | 1 reply

MOST LIKED

- andre** Andre Heughebaert | 2 hearts

https://discourse.gbif.org/categories

Latest | New (1) | Top | **Categories** | + New

Topic	Topics	Latest
Data Publishing related to data publishing in GBIF.	7	Regional categories
Data Publishing Data Publishing is for matters related to use of GBIF-mediated data.	17	An Invasive Shrub in Liberia
Data Publishing don't need a category, or don't fit into any other existing	3	我们是否需要一个单独的类别来讨论中文？
Data Publishing Sharing your node's experience with the community	21	Sharing your node's experience with the community
Data Publishing Lepidoptera atlas of Belgium	1 new	Lepidoptera atlas of Belgium
Data Publishing Google Dataset Search		Google Dataset Search
Data Publishing Another GBIF Challenge Entry		Another GBIF Challenge Entry
Data Publishing GBIF.org: now available in Japanese and Spanish		GBIF.org: now available in Japanese and Spanish
Data Publishing Call for GBIF.org translators in French, Russian, Simplified Chinese & Portuguese		Call for GBIF.org translators in French, Russian, Simplified Chinese & Portuguese

1 Empoderar la red global

1.b.Reforzar capacidades

- Programa BID: movilización de datos en países de África Subsahariana, Pacífico y Caribe. Talleres online y onsite.
 - Uso de datos para la toma de decisiones – reutilizar materiales y replicar en otras regiones (GBIF.ES 2019, BIDREX)
 - Evaluación para una segunda edición del programa BID y búsqueda de financiación
- Nueva documentación (texto y vídeos) sobre la movilización y uso de los datos
- Programa de [mentores](#)

The screenshot shows the Gbif.Es virtual training platform. At the top, it says "Gbif.Es Formación virtual". Below this is a navigation bar with "Página principal". On the left, there is a login form with fields for "Nombre de usuario" and "Contraseña", and a blue "Entrar" button. Below the login form is a "¿Ha olvidado su contraseña?" link and a "General" section with a "Forum" link. The main content area is titled "Cursos más populares" and features four course cards. Each card includes a thumbnail image, a title, a star rating, and the number of votes and visits. The courses are: 1. "BID PACIFIC - DATA USE FOR DECISION MAKING" (0 votes, 276 visits). 2. "Manejo, visualización y análisis de datos en ecología con R" (0 votes, 50 visits). 3. "Data Mobilization Workshop for South-East Europe (SEE)" (2 votes, 842 visits). 4. "ForBio Data Mobilization Skills" (1 vote, 490 visits). There is also a fifth card partially visible: "BID AFRICA 2017 - Biodiversity Data Mobilization Workshop" (12 votes, 2457 visits).

The banner features the GBIF logo (Global Biodiversity Information Facility) and the BID logo (Biodiversity Information for Development). Below the logos is a large image of a colorful bird perched on a branch. The text on the banner reads: "BID Capacity Enhancement Workshop: Pacific Data Use for Decision Making" and "University of Auckland, Auckland, New Zealand". At the bottom right, it says "THE BID PROGRAMME IS FUNDED BY THE EUROPEAN UNION" with the European Union flag logo.

<http://elearning.gbif.es/>

1 Empoderar la red global

1.c. Equipar a los nodos participantes

Apoyo a la *Comunidad Living Atlases*:

- Apoyar la implementación y el desarrollo de la plataforma Living Atlas a través de un modelo compartido de código abierto.
- Establecer mecanismos para ayudar a los países/IT en la adopción de un Living Atlas (documentación, materiales de comunicación, soporte).
- Aumentar el nivel de desarrollo compartido y compartir recursos.
- Desarrollar planes de trabajo y visión compartidos.
- Desarrollar y mantener la capacitación, documentación.
- Gobernanza.

https://datos.gbif.es/
Portal Nacional de Dades de Biodiversitat

Cercar en el portal de dades Cerca Avançada 🔍

25.891.515 registres	282 bases de dades	96 institucions
--------------------------------	------------------------------	---------------------------

Global Biodiversity Information Facility - Andorra

Localitza les espècies o tàxons pel seu nom científic dins d'Andorra

Què estàs buscant? CERCAR

<http://www.gbif.ad/>

1 Empoderar la red global

1.c. Equipar a los nodos participantes

- Consolidar la figura de los *Biodiversity Open Data Ambassadors*
 - Promover la comprensión y el uso de los datos y servicios de GBIF
 - Conferencias, artículos, medios, talleres, seminarios, proyectos, tomando un café ☺
 - Proceso: por invitación o autoselección
 - ¿Algún voluntario en la sala? Rellena [esta encuesta](#)
 - Insignias digitales, toolkit de información y comunicación



- Webinars de GBIF <https://www.gbif.org/webinars>



Biodiversity Open Data Ambassadors

A corps of professionals advocating best practices in open sharing and transparent use of biodiversity data



Trumpeter swans (*Cygnus buccinator*), migrating south over Alberta, Canada. Photo by karrin via iNaturalist research-grade observations, licensed under CC BY-NC 4.0.

The success of GBIF depends in part on establishing a good understanding within research and policy communities of the benefits and opportunities provided by free and open access to biodiversity data, as well as the importance of responsible use of such data through proper citation and attribution.

The GBIF Secretariat and GBIF participant nodes work to promote this understanding through their communication platforms, at meetings and across networks around of the world. However, this relatively small group can never hope to reach all relevant communities without assistance.

Biodiversity Open Data Ambassadors can fill that gap. If you are a biodiversity professional who promotes the principles and best practices of open data sharing and use, we can equip you with information resources, networking opportunities and recognition to make you an even more effective advocate in your own professional communities.



1 Empoderar la red global

1.e. Expandir la participación nacional

- GBIF.org multilingüe
 - ¿Más voluntarios para traducir/revisar?
 - Español, Japonés
 - Francés, Portugués, Ruso y Chino
 - Próximamente Árabe
- Nuevos países participantes: Vietnam, Sudán del Sur, Camerún, Liberia, Zimbabwe. En África, [20 países miembros](#) gracias al BID.
- Estrategia para aumentar la participación en zonas escasamente representadas:
 1. la antigua Unión Soviética, incluidos Asia Central, el Cáucaso y los Estados Bálticos;
 2. los Balcanes y otros países de Europa Central y Oriental;
 3. Norte de África y Medio Oriente;
 4. China, sur y sudeste de Asia.



1 Empoderar la red global

1.f. *Plan implementation*

- The 2nd Global Biodiversity Informatics Conference (GBIC2) – Julio 2018, Copenhagen
- Más de 100 participantes de todas las regiones
- Establecimiento de una alianza internacional para el conocimiento de la biodiversidad (planificación y desarrollo colaborativo de herramientas, servicios e infraestructura necesarios para organizar todos los datos de biodiversidad)
- GBIF lidera el proceso, seguimiento: comunicaciones, consultas y grupos de trabajo
- Modelos posibles
- <https://www.biodiversityinformatics.org/>



1 Empoderar la red global

1.g. Coordinar esfuerzos

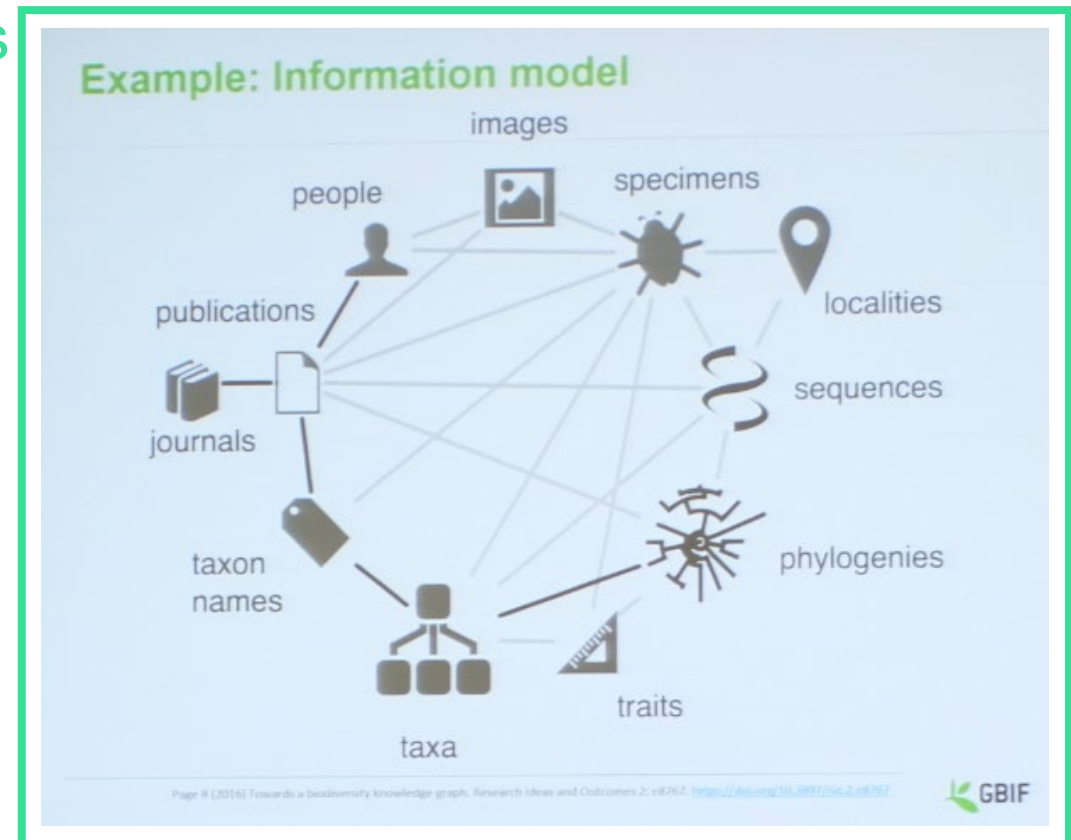
- Feedback del programa CESP y convocatoria revisada para 2019
- Difundir los resultados del programa BID – GB26
- >50 proyectos BID en marcha en África, Caribe, Pacífico, implementación termina en Q1 2019, reuniones de clausura en cada region
- Segunda fase del BID 2020
- Cuarta convocatoria BIFA
- Nuevas fuentes de financiación para apoyar la capacitación para movilizar datos en todas las regiones (fondos de Alemania, Finlandia, Noruega para actividades adicionales de capacitación)
- Nuevas convocatorias de Premios Ebbe Nielsen y YRA siguiendo las recomendaciones del Comité Científico



2 Reforzar la infraestructura

2.a.Modernizar estándares de datos

- Explorar una mejor visibilidad de los juegos de datos tipo *sampling event data* en GBIF.org
- Nuevo modelo de información de GBIF en consulta con la comunidad de expertos. 2 talleres.
- Creación de los estándares necesarios
- Rediseño del IPT, más intuitivo, que admitan estos nuevos perfiles, conjunto de herramientas
- Documentación de este modelo
- Primer modelo en 2019



2 Reforzar la infraestructura

2.b. Infraestructura de nombres

Catalogue of Life Plus (CoL+)

- Nueva infraestructura de nombres
- Catalogue of Life y GBIF Backbone generados automáticamente y de manera unificada (formando una «checklist provisional»).
- Actualizaciones reflejadas directamente en GBIF
- Cooperación con GBIF, COL, EOL, BHL
- Catálogo de especies lo más completo posible y herramientas que lo hagan sostenible
- Promover la publicación de checklists en GBIF.org

<https://github.com/Sp2000/colplus>

Sp2000 / colplus

Code Issues 18 Pull requests 1 Projects 0 Insights

The Catalogue of Life plus project

taxonomy life science biodiversity nomenclature

74 commits 2 branches 0 releases 3 contributors

Branch: master New pull request Create new file Upload files Find file Clone or download

File	Commit Message	Time Ago
docs	Start gathering the design in one place	2 months ago
logo	Update main readme with summary from proposal	10 months ago
.gitignore	Update RAML in various places, adding examples verifying actual code ...	2 months ago
README.md	Remove spaces from slidedoc filename	2 months ago

Catalogue of Life Plus (CoL+)

The [Catalogue of Life](#) has the mission to catalogue all known species as an authoritative consensus taxonomy produced by the global taxonomic community. Up to now it has completed peer-reviewed inclusion of nearly all extant species.

Many large institutional users (i.e. GBIF, EOL, ALA, Lifewatch) extend their copy of the catalogue with additional names and species to complete it to serve their own specific purpose. These disconnected efforts result in 'taxonomic inconsistencies' and cause confusion amongst users.

The [CoL+ project](#) seeks to replace these efforts with a shared, extended catalogue and complete the reviewed name coverage without sacrificing quality. Creating an open, shared, and sustainable consensus taxonomy to serve the proper linking of data in the global biodiversity information initiatives is the ultimate goal the project contributes to.

The goals for the [Catalogue of Life Plus \(CoL+\) project](#) are:

1. creating both an extended and a strictly scrutinized taxonomic catalogue to replace the current GBIF Backbone Taxonomy and Catalogue of Life
2. separating nomenclature (facts) and taxonomy (opinion) with different identifiers and authorities for names and taxa for better reuse
3. providing (infrastructural) support to the completion and strengthening of taxonomic and nomenclature content authorities
4. ensuring a sustainable, robust, and more dynamic IT infrastructure for maintaining the Catalogue of Life.

Specifically [the project](#) will establish a clearinghouse for taxonomy and nomenclature and rebuild all existing infrastructure of the Catalogue of Life including webservices, the portal and the software for the assembly of the catalogue and its editorial work.

Partners

Catalogue of Life Plus is a collaboration between the [Catalogue of Life](#), the [Global Biodiversity Information Facility Secretariat](#), [Naturalis Biodiversity Center](#) and partners with financial support by the [Netherlands Biodiversity Information Facility](#) and the Netherlands Ministry of Education, Science, and Culture.

A clearinghouse for taxonomy and nomenclature

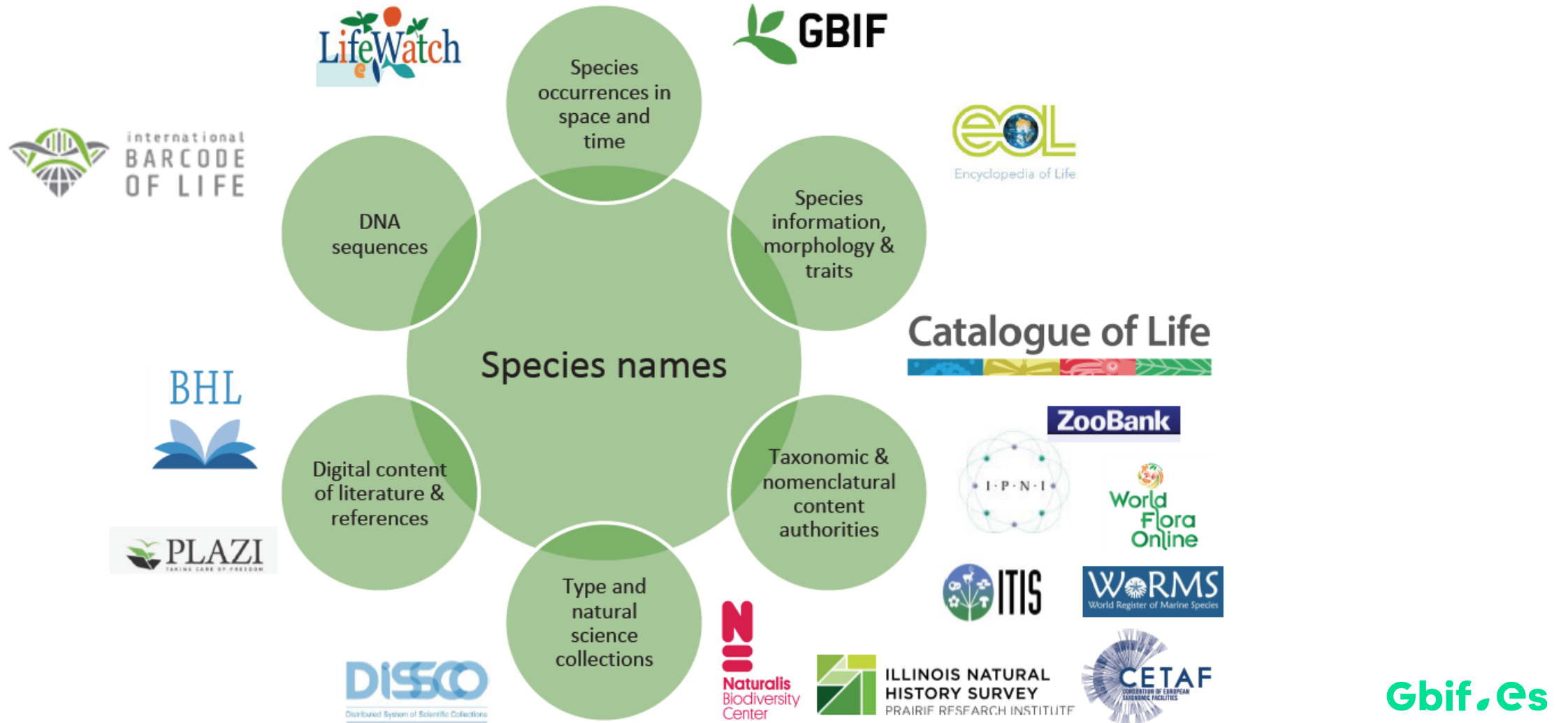
Source datasets - redundant: ZooBank, IPNI, FaEu, WoRMS, Plant article, Fishbase

Names & References: ZooBank, IPNI

GBIF Backbone sources: FaEu, WoRMS, Plant article

CoL GSDs: Fishbase

PROGRESS IN BUILDING THE CONSORTIUM



2 Reforzar la infraestructura

2.c. Catalogar colecciones

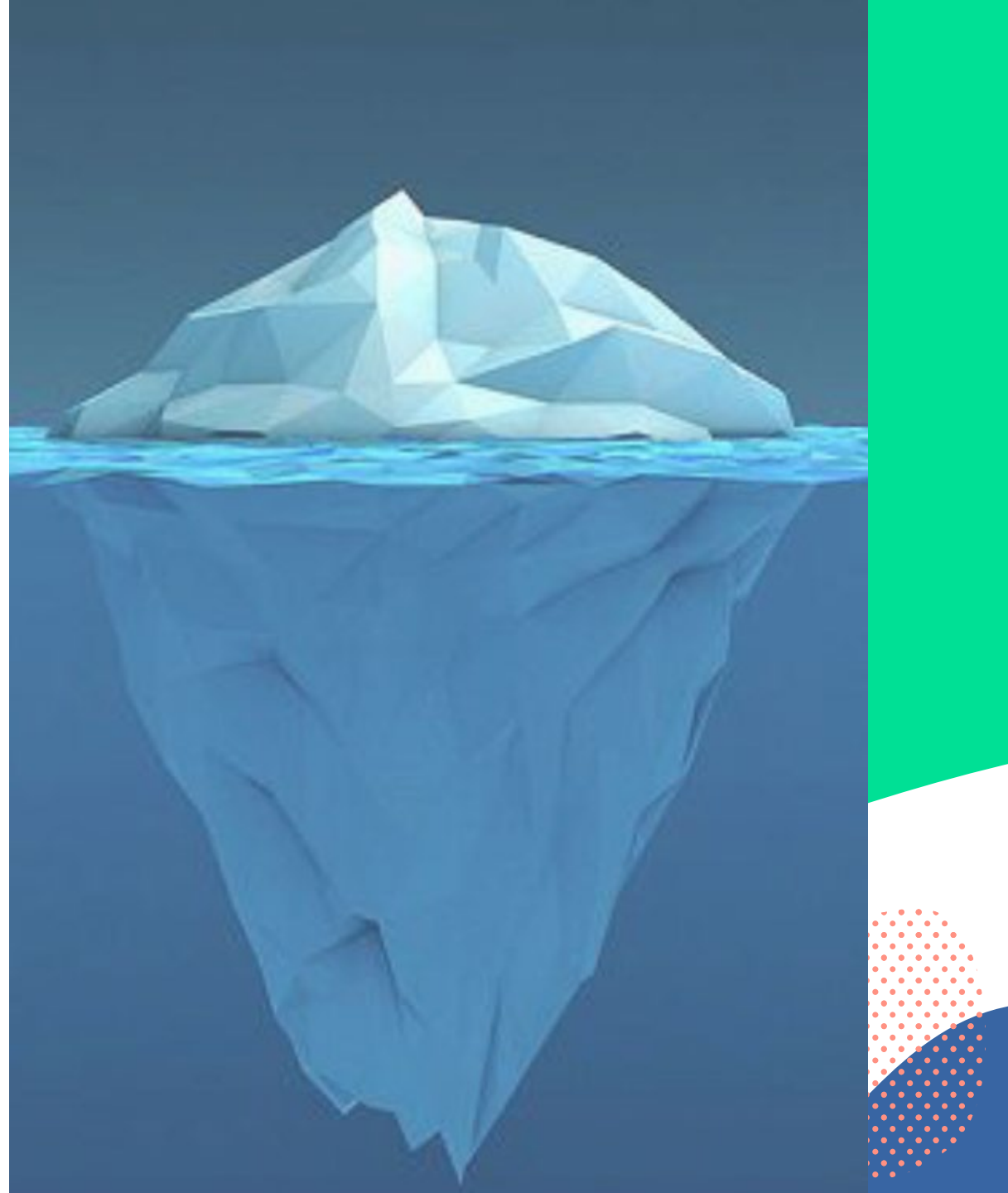
- Versión web del Registro Global de Colecciones de Biodiversidad
- Ahora mismo servicio caído
- Plataforma online de metadatos para colecciones, instituciones y personal asociado
- Trabajar con GRSciColl (Global Register of Scientific Collections), Index Herbariorum y nodos para que se mantenga actualizado



3 Rellenar vacíos de información

3.a. Identificar vacíos prioritarios

- Nuevo personal en GBIF: analistas de datos y administrador de datos
- Herramientas para visualizar vacíos de datos que apoyen la movilización de datos
- En colaboración con IPBES, capturar las brechas de conocimiento prioritarias
- Orientar a los nodos, proveedores y patrocinadores para abordar las brechas prioritarias a través de objetivos y estrategias de movilización basados en dimensiones espaciales, temporales, taxonómicas y temáticas de los datos de biodiversidad.
- Herramienta «suggest a dataset»
<https://www.gbif.org/suggest-dataset>



3 Rellenar vacíos de información

3.b. Ampliar flujos de datos

- Campaña para publicar datos de vectores y hospedadores de enfermedades humanas
- GBIF ya soporta datos de colecciones, observaciones en campo, ciencia ciudadana pero debe integrar más para convertirse en una plataforma que permita la evaluación de datos y elaboración de modelos
- Datos de literatura
- Información de especies
- Datos moleculares - incorporar OTUS (basados en secuencias de ADN) en el GBIF Backbone

OCCURRENCE DATASET | REGISTERED 18 JULY 2018

Mosquito Alert: Tiger Mosquito Dataset


Published by [CREAF - Centre de Recerca Ecològica i Aplicacions Forestals](#)

Mosquito Alert • Agustí Escobar • ✉ [Aitana Oltra](#)

4,030 OCCURRENCES

PROJECT METRICS ACTIVITY [DOWNLOAD](#) [HOME PAGE](#)

er mosquito (*Aedes albopictus*) observations
citizen scientists using the Mosquito Alert app. It
reports from citizens tagged by them as "adult
", that contain at least one picture and that it has
uated by entomological experts. According to
erts, the picture/s of this observation could be
quito (*Aedes albopictus*): their taxonomic
can be clearly seen in the picture/s, especially
stripe on head and thorax (confirmed
ons); or only some characteristic features can
ved, but it could be this species nonetheless
: observations).



**MOSQUITO
ALERT**
Metadata last modified: 28 August 2018
Data last changed: 18 July 2018
Hosted by: [GBIF-Spain](#)
License: [CC0 1.0](#)

[How to cite](#) [DOI](#) [10.15470/t5a1os](#)


4,030
occurrences

9.9%
with coordinates

100%
With taxon match

100%
With year

RENCEDED RECORDS





Datos moleculares - incorporar OTUS en el GBIF Backbone

This tool will query a blast database of the [UNITE Species Hypothesis General FASTA release](#) (a reference database for DNA barcoding of Fungi). All returned matches will then be matched against the GBIF backbone taxonomy by their identifier (e.g. SH191277.07FU). These OTU identifiers can be used for publishing sequence based data to GBIF. When the matching is complete, the result can be downloaded as a csv with identifiers included.

Only ITS sequences are currently supported.

Files can be uploaded in CSV or FASTA format. CSVs are expected to have a column named 'sequence' and an 'id' or 'occurrenceid' column. It is also possible to paste sequences into the text field below (only FASTA format)

Paste sequences here (fasta format)

```
>AT007_Inocybe_sp
TAGGTGaACCTGCGGaAGGATCATTATCGAATAAACTTGAACAGGCTGTTGCTGGTCTTCTCCGTGCACG
CTTGTCTCATCTTTGTTATTTCTCCAACCTCTGTGCACCTTTTGTAGACCCTGGAGCCTTTATGAATTTCT
GAAAATTCGAGTCAGGATTGCTGTGCTGTAAAAAGTCGGCTTTGCCTTGCATCTCCGGGTCTATGTCATT
TTTCAACCTCTCATATGTTTAGAATGTTGGAAATATAAAATGAAATATAACAACCTTTCAGCAACGGAT
CTTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCGAAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAATTCAGTGA
ATCATCGAATCTTTGAACGCATCTTGGCTCCTTGGTATTCCGAGGAGCATGCCTGTTTGAGTGTCATTTA
ACTTCTCAACCACATCATGACATTGATGTTGGCTTGGATGTGGGGTCTTTTTTTTGCAGGCTTTCTGTG
GAAGGTCGGCTCCCCTGAAATGGATTAGTGGTATCTGAGGCTACTACTATGGGTGTGATAAATATCTAAG
CCTTTGGTGTATGCCGCATGAACAGATTACACTGCTTCTAACAAAACAAATTTTGATGAATTTGACCTCA
AATCAGGTAGGACTACCCGCTGAACCTAAGCATATCAATAAGCGGAGGAAAAGAACTAACAAGGATTCC
CCTAGTAACTGCGAGTGAAGCGGAAAAGCTCAAATTTGAAATCTGGCGGTTCTTGAACGTGCCGAGTT
GTAATCTAGAGAAGTGTACCTGTGCTGGACC
```

[SELECT FILE](#)

or

DROP HERE

BLAST

References

UNITE Community (2017): UNITE general FASTA release. Version 01.12.2017. UNITE Community. [DOI](#) 10.15156/BIO/587475

Kõljalg, U. et.al. (2013). Towards a unified paradigm for sequence-based identification of fungi. *Molecular Ecology*. 22 (21): 5271-5277. [DOI](#) 10.1111/mec.12481

Altschul, S., Gish, W., Miller, W., Myers, E., Lipman, D. (1990). Basic local alignment search tool. *Journal of Molecular Biology*. 215 (3): 403-410. [DOI](#) 10.1016/S0022-2836(05)80360-2



TOOLS | SEQUENCE MATCHER

SEQUENCE MATCHER ABOUT



occurrenceId [?]	marker [?]	identity [?]	bitScore [?]	expectValue [?]	matchType [?]	scientificName [?]	classification [?]	sequence
AT001	its	99.83%	1077	0	Blast exact match	SH191277.07FU (<i>aff. Clitocybe foetens</i>)	Fungi > Basidiomycota > Agaricomycetes > Agaricales > Tricholomataceae > Clitocybe > Clitocybe foetens	GGAAGTAAAAGTCGTAACAA
AT002	its	97.694%	1038	0	Blast close match	SH186350.07FU (<i>Agaricales sp.</i>)	Fungi > Basidiomycota > Agaricomycetes > Agaricales	TAGGTGACCTGCGGaAGGA
AT003	its	99.644%	1026	0	Blast exact match	SH186175.07FU (<i>aff. Hydnum magnorufescens</i>)	Fungi > Basidiomycota > Agaricomycetes > Cantharellales > Hydneaceae > Hydnum > Hydnum magnorufescens	TGCGGAAGGATCATTAAATGG
AT004	its	99.165%	1083	0	Blast exact match	SH219355.07FU (<i>aff. Tricholoma triste</i>)	Fungi > Basidiomycota > Agaricomycetes > Agaricales > Tricholomataceae > Tricholoma > Tricholoma triste	GAGCTGCGGaAGGATCATTAA
AT005	its	96.905%	857	0	Blast close match	SH188504.07FU (<i>aff. Cortinarius hinnuleoarmillatus</i>)	Fungi > Basidiomycota > Agaricomycetes > Agaricales > Cortinariaceae > Cortinarius > Cortinarius hinnuleoarmillatus	TAGGTGACCTGCGGaAGGA
AT006	its	99.467%	1022	0	Blast exact match	SH186175.07FU (<i>aff. Hydnum magnorufescens</i>)	Fungi > Basidiomycota > Agaricomycetes > Cantharellales > Hydneaceae > Hydnum > Hydnum magnorufescens	aACCTGCGGaAGGATCATTAA
AT007	its	93.157%	920	0	Blast close match	SH178662.07FU (<i>aff. Inocybe tigrina</i>)	Fungi > Basidiomycota > Agaricomycetes > Agaricales > Inocybaceae > Inocybe > Inocybe tigrina	TAGGTGACCTGCGGaAGGA
AT008	its	99.551%	1214	0	Blast exact match	SH201293.07FU (<i>aff. Cystolepiota adulterina</i>)	Fungi > Basidiomycota > Agaricomycetes > Agaricales > Agaricaceae > Cystolepiota > Cystolepiota adulterina	TAGGTGACCTGCGGaAGGA
AT009	its	99.606%	924	0	Blast exact match	SH101622.07FU [⚠] (not in GBIF taxonomy)		TAGGTGACCTGCGGaAGGA
AT011	its	98.972%	1216	0	Blast exact match	SH174669.07FU (<i>aff. Agaricus sylvaticus</i>)	Fungi > Basidiomycota > Agaricomycetes > Agaricales > Agaricaceae > Agaricus > Agaricus sylvaticus	TAGGTGAaCCTGCGGaAGGA
AT012	its	100%	1033	0	Blast exact match	SH198542.07FU (<i>Polyporales sp.</i>)	Fungi > Basidiomycota > Agaricomycetes > Polyporales	TAGGTGAaCCTGCGGaAGGA
AT013	its	85.977%	595	4.79e-170	Blast weak match	SH190012.07FU (<i>Ramariopsis sp.</i>)	Fungi > Basidiomycota > Agaricomycetes > Agaricales > Clavariaceae > Ramariopsis	TAGGGTGAaCCTGCGGaAG



TOOLS | SEQUENCE MATCHER

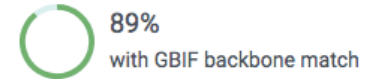
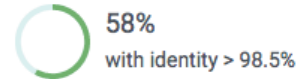
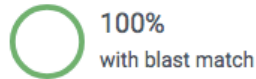
SEQUENCE MATCHER ABOUT

Your data have been matched against a blast database of the [UNITE Species Hypothesis General FASTA release](#). All returned matches have then been matched against the GBIF backbone taxonomy by their identifier (e.g. SH191277.07FU). These OTU identifiers can be used for publishing sequence based data to GBIF. The result can be downloaded as a csv with identifiers included.

Sequences were assumed to be in the ITS region.

Match types

- Blast exact match** identity >= 98.5%. This is within the threshold of the OTU.
- Blast close match** identity < 98.5% but > 90%. It is something close to the OTU, maybe the same Genus.
- Blast weak match** there is a match, but with identity < 90%. Depending on the quality of the sequence, bit score, identity and expect value, a higher taxon could be inferred from this.
- Blast no match** No match.



occurrenceId	marker	identity	bitScore	expectValue	matchType	scientificName	classification	sequence
AT001	its	99.83%	1077	0	Blast exact match	SH191277.07FU (<i>aff. Clitocybe foetens</i>)	Fungi > Basidiomycota > Agaricomycetes > Agaricales > Tricholomataceae > Clitocybe > Clitocybe foetens	GGAAGTAAAAGTCGTAACAAGTT
AT002	its	97.694%	1038	0	Blast close match	SH186350.07FU (<i>Agaricales sp.</i>)	Fungi > Basidiomycota > Agaricomycetes > Agaricales	TAGGTGACCTGCGGaAGGATCAT
AT003	its	99.644%	1026	0	Blast exact match	SH186175.07FU (<i>aff. Hydnum magnorufescens</i>)	Fungi > Basidiomycota > Agaricomycetes > Cantharellales > Hydnaceae > Hydnum > Hydnum magnorufescens	TGCGGAAGGATCATTAAATGGATT
AT004	its	99.165%	1083	0	Blast exact match	SH219355.07FU (<i>aff. Tricholoma triste</i>)	Fungi > Basidiomycota > Agaricomycetes > Agaricales > Tricholomataceae > Tricholoma > Tricholoma triste	GAGCTGCGGaAGGATCATTATTGA
AT005	its	96.905%	857	0	Blast close match	SH188504.07FU (<i>aff. Cortinarius hinnuleoarmillatus</i>)	Fungi > Basidiomycota > Agaricomycetes > Agaricales > Cortinariaceae > Cortinarius > Cortinarius hinnuleoarmillatus	TAGGTGACCTGCGGaAGGATCAT

3 Rellenar vacíos de información

3.c. Involucrar a los propietarios de datos

- Trabajar con el proyecto DiSSCo para maximizar las oportunidades de movilizar datos de colecciones de instituciones europeas, incluso en países que aún no participan en GBIF
- Publicación de datos del sector privado
- Trabajar con iNaturalist, iDigBio y la comunidad de nodos para maximizar las oportunidades de participación pública en la movilización de datos obtenidos de City Nature Challenge y WeDigBio



4 Mejorar la calidad de los datos

4.a. Asegurar persistencia de los datos

- Aumentar la comunicación para:
 - mejorar las recomendaciones sobre buenas prácticas en la citación de los datos
 - Reconocer GBIF como una red de repositorios de datos de confianza
 - Aumentar el reconocimiento de los datos movilizados a través de GBIF como FAIR data



4 Mejorar la calidad de los datos

4.b. Evaluar la calidad de datos

- Revisar, consolidar y actualizar la documentación existente para los proveedores de datos. En particular, proporcionar una guía clara sobre los requisitos mínimos de calidad que tienen que cumplir los datos publicados.

4 Mejorar la calidad de los datos

4.c. Habilitar la curación de datos

- Continuar con la exploración del uso de identificadores estables y de resolución permanente para todos los registros (UUID)

5 Hacer accesibles datos relevantes

5.a. Involucrar a la Academia

- Mejorar el compromiso con las comunidades académicas a través de los Embajadores de Datos Abiertos de Biodiversidad y compartir en la red, las mejores prácticas de los nodos que promueven la informática de la biodiversidad en los currículos académicos
- Desarrollar materiales para guiar a las comunidades académicas sobre el uso de datos mediados por GBIF en áreas temáticas, por ejemplo. biología de la conservación, invasiones biológicas, epidemiología

5 Hacer accesibles datos relevantes

5.d. Evaluar impacto

Revisión externa de las funciones y operación de GBIF. 1ª evaluación en 2005, y ahora 20 años desde los Mega Science Forum (OCDE)

¡GRACIAS!

Cristina Villaverde
cvillaverde@rjb.csic.es
www.gbif.es
datos.gbif.es



CSIC

REAL JARDÍN
BOTÁNICO

Gbif.es



Gbif ANDORRA